

Figure 1

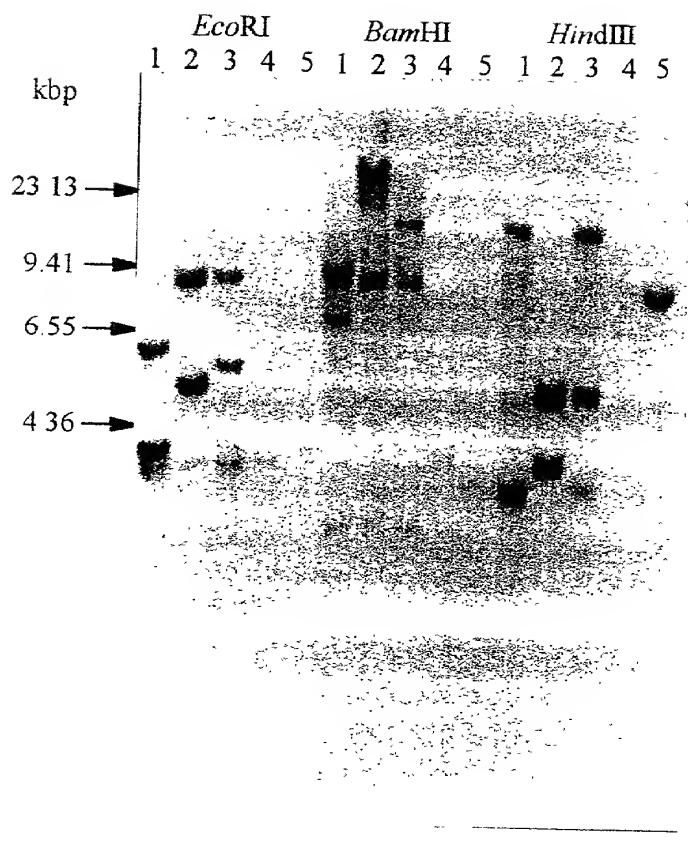


Figure 2

1 CAGCATTCCA AGAGGAAAAA AAACATGATC AAGAAGTAAT TACTACAAAA  
51 GAGGAAGCTG TAGTAGTAAC TGCACCACCA CCATCAGAAA CAGCAGAGCC  
101 AGCTGCAGCT GTTGTGCCG AGGAAGAGAC AACAAAGGAG CAAGAAGAGC  
151 CGCCAGCAGT ATCGGCCGAG GAACCTGTGG CCCCAGCTGA AGTAGAGACA  
201 AAGGTGGAAG TTACAGAAGA ACCACCAAAA GTTGAGGAGA AACCAGCAGA  
251 AGTAGAGGAG GCTCCAAAGG AAACAGTACA AACAGAACCA GCTGTTGAGA  
301 AGACCATCAA GGAGGAAACT GTAGAGGACT CTGTCGTGGC ACCTGCTCCC  
351 GAACCGGAAG CCGAAGTCCC AAAAGAGAAG GTAATTGCTA CTACTGAAAC  
401 TACTGAGGAA GAAGAAAAAG TGGCAGTTGA AGAAGTTGAA GTGAAAGTTG  
451 AAACAGAGGA GGGAGAAGTT ACTGAGGAGA AGACTGAGTA AAATAAGTTG  
501 TACAACATT ATTGCACGC CTTATTTCT CAATTGGAAG TTTATAATGT  
551 AGTGGGCTTT TGGTAATATT TGGGGGTTA ATAAGTGGTT TAAGTGGGTT  
601 AAGGCTTTT TGGAAATTTAG ATATTTGGGT AAAGGCCTAC TTGAACAAAA  
651 CATAGAAATT TGGCACACAT GGGTAAAGT CAAACTTGT TGAGGATGTT  
701 TTCTTGTGG TTAAATGTGT GTGCCAAGTA GTAGAATGTG GTGGTTGTAA  
751 TGTAAGTTCT CAAGTAGGGT TTATGAGTCC TAGTATTATG CTTGATTGTA  
801 TGTTGATATG AAAATGGGG TATGTTGGCT TTGAATAAAA GTTTTAATT  
851 TTATAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA AA

Figure 3

1 AFQEEKKHDQ EVITTKEEAV VVTAPPSET AEPAAVVAE EETTKEQEEP  
51 PAVSAEEPVA PAEVETKVEV TEEPPKVEEK PAEVEEAPKE TVETEPAVEK  
101 TIKEETVEDS VVAPAPEPEA EVPKEKVIAT TETTEEEEKV AVEEVEVKVE  
151 TEEGEVTEEK TE

Figure 4

1 AAACAACAAACTTTTCAATCAATCTTCTTCTTAATCATCACCATGTCGAGCTGCGGAA 60  
T T N F F I N L L S L I I T M S S C G N

61 ACTGCGACTGTGCCGACAAGACCAACTGCCCAAAGAAGGGAAACAGCTACGGCTTGACA 120  
C D C A D K T N C P K K G N S Y G F D I

121 TCATTGAGACCCAGAAGAGCTACGATGACGTCGTGGTATGGATGTTCAGGCAGCTGAGA 180  
I E T Q K S Y D D V V V M D V Q A A E N

181 ATGATGGCAAGTGCAGTGCAGTCGGCCCGAGCTGCAGTTGTGTGGCTGCAGCTGTGGTCATT 240  
D G K C K C G P S C S C V G C S C G H \*

241 AAGTTAACACAAACATTATCATGTTAGTGAATAATGATGTGTGATGAATATAGGTG 300  
301 AAAAATCTGTGGTGTGATAAAAACCGTTGGTGAATAAAATAGGTGTATATTCGTGTGCAC 360  
361 CTTCTACGAGTACTTGTGCTTGTGGGTGAAAGAAATATGCACCTAACGTGTCAGTTGTT 420  
421 TCCGTGTTTCGCCGTGTCCCTTGTAAATGGTCATGTTGTGTTCTTGTGGTTAAATT 480  
481 AAATGAACTAGTAATGTTATGTAAAAAAAAAAAAAAA 519

Figure 5

1 GGAGGAGATCACCAAGTCCACCAACACGTCTCGTAATGAGACACGGCGATCGGATAGAC 60  
 R R S P V P P T R R R N E T R R S D R Q  
  
 61 AACTTCGAGCCACTGTGGGTGAAGACGGCGGAACGATGGGACCCACCCTGGTCATG 120  
 L R A T V G E D G G E R W D P P L V D E  
  
 121 AAGGCAAGCTCCGTACCTTCCGGACAGGTCTGAAGCTCCGAACCAATTGATTTCCGA 180  
 G K L R T F R T G L K L R T N F D F P I  
  
 181 TCCATCGTGTCTTGATCACCTTCCCGTGCCTACAGACAGCATCGGAAGTCATCT 240  
 H R V F V S P F L R C V Q T A S E V I S  
  
 241 CCGCTCTCTGCCGCGACGATATTCCCGCCACCACAAATAGAGGCCGATCAAGTACAAA 300  
 A L C A V D D I P A T T N R G D Q V Q I  
  
 301 TCGATCCATCCAAGATCAAGGTCTCTATTGAGTATGGATTATGTGAAATGTTAACATGC 360  
 D P S K I K V S I E Y G L C E M L N M Q  
  
 361 AAGCCATAAGACTTGGTATGGATTCAGCAATGGAAATTGGGTTTCGATAAATCACACC 420  
 A I R L G M D F S N G N W G F D K S H L  
  
 421 TTGAATCAACATTCCCAGTTGGACGGTGGATCATAGTGTGGAACCACTCTATAAAGAGA 480  
 E S T F P V G T V D H S V E P L Y K E M  
  
 481 TGCCAAAATGGGAAGAGACAGTCATGGCGCAAGGGCCAGATATGAAGAGGTTATTGAGG 540  
 P K W E E T V N G A R A R Y E E V I Q A  
  
 541 CCCTAGCAGATAAAATACCCACGGAGAACTTGGCTTACACATGGGAAGGAGTTG 600  
 L A D K Y P T E N L L V T H G E G V G  
  
 601 GCGTTGCAGTTCTGCCCTCATGAAGGATGTTACAGTGTACGAAGCCGATTATTGTCCT 660  
 V A V S A F M K D V T V Y E A D Y C A Y  
  
 661 ATACACACGCAAGAAGATCCATTGTCTGGCAAAAACAGTCATTTACTGCTGAAAATC 720  
 T H A R R S I V L G K N Q S F T A E N F  
  
 721 TTGAAGTATTACCAAAACAAGGCCAAACTGGTGTCAAGTACGTCCCTGAACAGCATTGAT 780  
 E V L P K Q G Q T G V S Y V L E Q H \*  
  
 781 GGAACGTATGACCTAATTGTGGCAGCCGATGATTACAGAAACAATTCCACACCTTTT 840  
 841 TCTTTTTCTGGCATTGCCTACATTATAATTAGGCATTCTCATAGCTAAGGCT 900  
 901 CATTGGATTACATCCCTACTTGTAAAGGAGACTTGATTTGTTGCCTCAAACAGAA 960  
 961 CATATGTTGCTGTGTCCATCAGCTTTTAACGGGATTTCTATTTACAGTGTGAA 1020  
 1021 AAAAAAAAAAAAAAAA 1046

Figure 6

1 GTTGATGGCAGATGTGACCAACTCAGGAAAAATGCCAGGGTTTGCAATTGATTCTTAC 60  
 V D G R C D Q L R K N A R V V A I D S Y  
  
 61 GAAGATTTCTTGAACGATGAGAACGCATTGAAAAAGGCAGTGGCTAGTCAGCCTGTG 120  
 E D V P L N D E N A L K K A V A S Q P V  
  
 121 CGCGTCGCCATTGAAGGAGGTGGCAGGGATTCCAACCTATCAATCAGGCGTCTTACT 180  
 R V A I E G G G R D F Q L Y Q S G V F T  
  
 181 GGATCATGTGGGACGGCCCTAGACCATGGTGTGGCTGCTGTTGGGTATGGCACAGAAAAT 240  
 G S C G T A L D H G V A A V G Y G T E N  
  
 241 GGTGTGGATTACTGGATTGTAAGGAACCTCATGGGTGCAAGCTGGGAGAGAGCGGCTAC 300  
 G V D Y W I V R N S W G A S W G E S G Y  
  
 301 ATCAGGATGGAACGTAATCTGGCAGGCACAGCTACGGCAAATGTTGGTATTGCAATGGAA 360  
 I R M E R N L A G T A T G K C G I A M E  
  
 361 GCCTCTTACCCATTAAAGAACGCCAAATCCCCAAACCCAGGACCATCTCCTCCATCT 420  
 A S Y P I K K G Q N P P N P G P S P P S  
  
 421 CCAATAAGAACCTCCAACAGTTGTGACAATTACTATACCTTGGCTGAAAGCACCCTT 480  
 P I K T S N S F V T I T I P W L K A P L  
  
 481 GCTGCTGTCTATTTGAGTTGGCAGGTATTGCTCGAGTGGGATGTTGCCACTCGAGG 540  
 A A V Y L S L A G I A S S G D V A H S R  
  
 541 CTGCCACTTGCTGTGATGACCATTACAGTTGCTGCCACATGAGTATCCCATCTGCAACC 600  
 L P L A V M T I T V A A H M S I P S A T  
  
 601 TTAATGCAGGGACGTGTATGATGAGAAGGACAACCCATTGAGTGTGAAGGCATTGAAGCG 660  
 L M Q G R V \*  
  
 661 TACTCCGCTAACCTCATTGGCCTTGGAACCGTGGCAAGAGCAGCAGTGCTTAAGA 720  
 721 ACATTGTGTCATCTACAGTGAAGTAAAACGAGGATGAAAAGTTGTATCAGGCAGGGC 780  
 781 TTGATGATCTCCTCGGTTTATAGTACCGCATAACCTCATTCTCCATTAAGGTATATAC 840  
 841 ATATGGACGGTTTATCAAAGTTATTCAAGATGCTAATTATGTATATATCATTCTCAGTC 900  
 901 -CTGTATTCATTTAACGAGAACATAAACAGATCGTTATCAGCTACCAATTCCACTGT 960  
 961 -AATCACGTTATCAATTATTTACTGGCCTCGCTGAAAAAAAAAAAAAAA 1017

Figure 7

1 CGGTTCAATCGCTGGATCAATCGAGCATATGGCGATGTATCCGGTTGATAACGCTTAAAC 60  
 G S I A G S I E H M A M Y P V D T L K T  
  
 61 TCGCATAACAGGCTATTGGGTATGTCGGCTCAATCCGCCGGTCTCCGACAAGCCCTGG 120  
 R I Q A I G S C S A Q S A G L R Q A L G  
  
 121 GTCGATACTGAAAGGTGAAGGTCCGCCGGACTTTACCGTGGATTGGTCAATGGGTCT 180  
 S I L K V E G P A G L Y R G I G A M G L  
  
 181 CGGTGCAGGACCAGCTACGCAGTGTATTCCTCGTTACGAGATGTGTAAGGAGACTTT 240  
 G A G P A H A V Y F S V Y E M C K E T F  
  
 241 TTCTCATGGTGATCCGAGCAATTCCGGTGCACGCCGTTGGGGGTGTCGCACGGT 300  
 S H G D P S N S G A H A V S G V F A T V  
  
 301 GGCAAGCGACGCCGGTATTACGCCGATGGATGGTGAAACAGAGGTTGCAGTTGCAGAG 360  
 A S D A V I T P M D V V K Q R L Q L Q S  
  
 361 CAGTCGTACAAGGGTGTGTTGATTGCGTGAGGAGGGTGTGGTAGAAGAAGGGATTGG 420  
 S P Y K G V V D C V R R V L V E E G I G  
  
 421 CGCATTTCACGCATCTTATCGAACAACTGTGGTCATGAATGCCCGTTACGCCGTCA 480  
 A F Y A S Y R T T V V M N A P F T A V H  
  
 481 CTTGCCACATATGAAGCCACGAAGAAAGGGTTGGAGGTGTCGCCGGAGACTGCGAA 540  
 F A T Y E A T K K G L L E V S P E T A N  
  
 541 CGATGAGAATTGTTAGTCATGCTACTGCTGGTCTGCTGGAGCTTGGCTGCAGT 600  
 D E N L L V H A T A G A A A G A L A A V  
  
 601 AGTAACCACTCCACTAGATGTTGCAAACACTCAGTTGCAGTGCAGGGATG 660  
 V T T P L D V V K T Q L Q C Q G V C G C  
  
 661 CGACAGATTTCTAGCAGTCGATTCAAGGATGTTAGGAAGCATACTGAAGAAAAATGG 720  
 D R F S S S I Q D V I G S I V K K N G  
  
 721 ATATGTCGGGTTAATGAGGGGGTGGATTCCCAGAATGCTATTCATGCTCCTGCTGCAGC 780  
 Y V G L M R G W I P R M L F H A P A A A  
  
 781 AATCTGCTGGTCACTTATGAAGCCTCCAAAACATTCTTCAAAACTCAATGAGAGCAA 840  
 I C W S T Y E A S K T F F Q K L N E S N  
  
 841 TAGCAACAGCTCAGTACCTAACGATTCTATGTTTGTGCTCTACTAGGCTTATCCA 900  
 S N S S V T \*  
  
 901 AAATCATGTCGATTGGTTCACTCACCAACAGTGCATGAACAACTCAAAGCATCGAAT 960  
 961 TTTACATGTATATTATGCAATCTAGATGCTTCTGATATTATTTTATTTTTCTTTTC 1020  
 1021 CAACTTTGTAATTAGAATTAGCTACTATGGTTATGGCATGGAGTGTGTTATAATTGCTA 1080  
 1081 ATATCATCGTATAAGCAATGCTATTCAGAAATTGTGGTGTAGGTTAGAGTAATGTTAT 1140  
 1141 TTGCACATCCACTTACATAGACCGCGGGACTCATTAAAAA 1195

Figure 8

1 GAGCTTATAT TCGTGTGTTAAT TTAACCTTCAAA TTAACCTTCATAA KTGACTCTC AACAACTCA AGCTTGGAT CATTAAATC GAAACCACAA CACAAATATT  
 101 ATGATTCTCT TGGCTCTT GCTCTGTAC CAAATACGC ACACCAAAA AAATCTCTT TGTATTATAT TCGTTTTTA TTTTTAAC GTTTGGAT  
 201 TCAAACATCA TATAA;TAAG GGGAATATT ATTCGGACTC CTCACAAAC TTTGACATT GTGATTACAC ATTGATGA CAGAAGTT TGATGAGTG  
 301 CCATTCACAA TCCTTCCTTA KTGGCTCAT AAAGGGTGT' TTGTTAATTA AAAGRAAGAT AGGAAATT AGCAAGAAGT GCNTATGG GACTGGATA  
 401 TATGACAGG ATCTGAGTG GCAAGAAAG AAAGTGGCAGG CAGAGTCAGG TGTGTCCTT CTGCTAAT TCTTCAGG AGAGCCAC CTCATAGA  
 501 TGAGATTAG AAAGGGTTT CCACAAAAA ATAGACACA ACCCATCCAT GACCAATA AACATGACA GGTCACTATT TCTTCATT TTTTCCTC  
 601 AAGCTTATAA YACCTATTAG TGYCTTAAAC ACCGGCTAA CTTGGATT CTGTCATT GTGACTTT TAATGCCAA TTGGCTTG AAGGAATAA  
 701 AAAGGAAGT CTTTCTTG AACCCATATG GAGGAAATT CATTGAGAGA CTTAGAGGAG AGGGATGGAG ATTCGGCTTG AGATGATA CGGAATCTCT  
 801 TTAATTCGTA TATGTAATC ACTAGACAC AGTGTACCA TATATGATCA ATGTCAATG TCACAGAAAA CGTAACTCAC GRACACATT CGTAACTG  
 901 ATGACCAAT CAYCATATTA AACATAGTGT' TAGACAATA AAAGATCTT AGTCGTAAAGA GCATAGCTC GTGACAGAA CAAAACGTG GATGCCAAC  
 1001 CTAAGAGGG GTATTCCTT TATTCCTATA TCTCTTTTG ATATGACTA AACCTTGTGT CACCCACAAAT GTTCAGTACG ATCGATATT GTTGGCTTG  
 1101 TGTGGATGA GAGATGAT GAGACTGGCC ATTAGTTTA GCCGGATGTG MTGGGGAT ATGTGAGCA ATATAGATA TATAAACTT GAACAAANCA  
 1201 ATTTCCTAAC AGTAACT ATAGTAAT CTCCTCTAG ATGATAACT AAATGGTAGA ATATCCGTTG MTACCCCA ATTTTAA ATCTCGGA  
 1301 AAATCTGTA TCTCTTGT' TCGAAGCGAA ATTCCTCTCT TCCAAACCC TTAACTAATG TAAATTCGT TAGTAAATT AAATGAA TGATGACACA  
 1401 AGAGTGATA AGGTGATA AGGTGATGG TCACTACTT ACCAAACTGC ACACAAAGACA CAAAGCACAA TCCAAAGTA GTAGTGTAGT TACACACATT 'GAAANANG  
 1501 ACCCTCATA TTTGCCAC CTCCTGTAA AAAGGATA CAACAAATT ACTCTTACA TTATTAAATAAGTGA UNACTCCTC TCCAACTCAC  
 1601 AGCTTAAAT TCTCTTATG GCGTAAAGT CTCAGATCA CTCAGATCA GTGAAATGT GTGTCATAAT CCCAGATC TICATGTCGC CTCCTCTCT  
 1701 CTCCTCTCT CTCCTCTCT CTCCTCTCTC ATCAACTGAA GGGCTTGGG ACCCTATAT AAACCTCTC TCTGTACA TCTCTC

Figure 9

1 GATCTTATATTGAGGATGCAAAGTTCAAATTACCTGATATGTAACCTCAACAAAATCA 60  
 61 AGCTTTGATCATATAATCGAAACCAACACACAATAATTATGAATTCTTGTACTCTT 120  
 121 GTCTCTGTACCAAAATACGCACACCCACAAAAAATTCTTTGTATTATTCGTTTTTA 180  
 181 TTTTTTTAACGTTTGGTATTCAAACATCATATAAGTAAGGGGAAATTATTATCGGACTC 240  
 241 CTCCAAAAACTTATGACATTGTGATTACACATTGAATGACAGAAGTTTGATGAAGTG 300  
 301 CCAATATCAATCTTTCTTAATTGCTCATAAAGGGTGTGTAATTAAAAGAAAGAT 360  
 361 AAGGAAATTAGCAAGAAGTGCATTATTGGACTGGTATATGACAAGGATCTGACGTG 420  
 421 GCAAAGAAAGAAGTGGGCTGTGAGTCAGGTGTGCCATCTGTCATAATTCTTCAAAG 480  
 481 AGAGTCCACCATCTCATAGATGAGATTAGAAGTGGTTCCACAAAAAAATATGACACA 540  
 541 ACCCATCCATGAACCAATAAAAACATGACAGGTCACTTTCTTCTATTCTCTC 600  
 601 AAGATAATAATACCTATTAGTGTCTTAACACCCTAACTTGCATTCTGTCATT 660  
 661 GGTGACTTTTATTGCCAATTGTGGCTGAGGAAATAAAAAGGAAAGTCTTTCTTG 720  
 721 AACCCATATGGAAGCAATTCAATGAGAGAGATAGAGAGGGATGGAGATTGGGGTGG 780  
 781 AGAATTGATACGGATCTTCTTAATTGGTATATGTAATCACTCAGAAACACGTATACCA 840  
 841 TATATGCATCAATGTCATGTCACAGAAAACGTAACCTCACGAACACATTGTAACATGC 900  
 901 ATGCACCAATCATACATTATAACATAGTGTACGACAATAAAAGATCTTAGTCGTAAGA 960  
 961 GCATTAGCTCGTACAAGAACAAAACGTGGATTCCCACCTAAAGAAGGGTATATCTT 1020  
 1021 TATTCAATATCTACTTTGATATGACTAAACCTTGTGTCACCCACAATGTTCACTG 1080  
 1081 ATCGATAATTGTTGACTTGTGTTGGATGAGAAAATGTATGAGACTGGCCATTAGTTTA 1140  
 1141 GCCGGATGTGATTGGGTTATTGATGACAATATAAGATATAAAAACCTGAACAAAACA 1200  
 1201 ATTTCTCAACAAATTAAACTACAAGATAATCTCCCTCAGATGATAAAACTAAATGGTAGA 1260  
 1261 ATATCCGTTGAGTACCCCCAATAATTAAAATCTCCAGCAAATACTGTGATTCTTCT 1320  
 1321 TCGAAGCAGAAATTCTTCTTCCAAACACCTTAACAAATGTAATTGTTAGTAAGATT 1380  
 1381 AAATTGAAATGATAACACAAGAGTGAATAAAGGTCAAGGTACCTACTTACCCACTGC 1440  
 1441 ACAAAACACACAAGCACACATCCAAAAGTAGTAGTATGATTACACACATTGAAAAATG 1500  
 1501 ACCTCCATTATTTAGCCACCTCTTGTAAAAAAAGATTACAAACAAATTACTCTATCA 1560  
 1561 TTATTATAAAAATAGTAGCATAACCTCATCTCAATCCACACATATAATTACATTATT 1620  
 1621 GCCAAACATGCTAAAAGCTTCTGTATTCACTGAAATGTGGTGTCAAATCCAGATT 1680  
 1681 TTCATGTGCCCT 1740  
 1741 ATCAACTTGGGGCTTTAGGACCTCTATATAACCTCTCTCAATTGATCATCTGATC 1800  
 1801 ACACCTCAAGCATTCTCTCTACTTTCTCTACTTTAGGTCAACTACACTCCCTTGAGT 1860  
 1861 TTCCAATGGCCACTGTTGAGGTAATCAAGTGTATATAACATAAAATTATTGAAAGAT 1920

M A T V E

1921 GATTGATTCAAAGAGAACCCCTTTGTGTTTCTTAAATAAGATCCATGTATATGAAGTTT 1980  
 1981 TAATGTTTCATGTTTTTATTTTGTAAATTCTTTAAATTAGGCATTGGCAAT 2040  
 2041 ATCCCATTGTGAAAAGATCTGTTCTCTGGAAAGAGATTAGAATTGCTTGTGTCGA 2100  
 2101 TTCATCATGAAAATCAATCTGGGTCTAGCTTAATTGTGCTGATCTGACCGGACTGTTA 2160  
 2161 GATGATTGTTTATATGTAGGCCAATAGAGAGTGTAGTATTCCGAAATAACAAA 2220  
 2221 TCCGAGCAAACATAATCTCAATAGTAACCTTGTAAATCTCTAAATAATCAAAAATAAT 2280  
 2281 GCTTATTGGGGTATTGGTGTGTTGATGCAGGTTGATCAGCGCAGACAGCATTCCAAG 2340

V V S A Q T A F Q E

2341 AGGAAAAAAACATGATCAAGAAGTAATTACTACAAAAGAGGAAGCTGTAGTAGTAAC 2400  
 E K K H D Q E V I T T K E E A V V V T A  
 2401 CACCACCAACATCAGAAACAGCAGAGCCAGCTGCAGCTGTTGCGAGGAAGAGACAA 2460  
 P P P S E T A E P A A V V A E E E T T  
 2461 CAAAGGAGCAAGAAGAGCCGCGCAGCAGTATCGGCCGAGGAACCTGTGGCCCGCTGAAG 2520  
 K E Q E E P P A V S A E E P V A P A E V  
 2521 TAGAGACAAAGGTGGAAGTTACAGAAGAACCCAAAAGTTGAGGGAGAAACCAGCAGAAG 2580  
 E T K V E V T E E P P K V E E K P A E V  
 2581 TAGAGGAGGCTCCAAGGAAACAGTAGAACAGAACCCAGCTGTGAGAAGACCATCAAGG 2640  
 E E A P K E T V E T E P A V E K T I K E

Figure 10 a

2641 AGGAAACTGTAGAGGACTCTGTCGTGGCACCTGCTCCGAACCGGAAGCCGAAGTCCCAA 2700  
E T V E D S V V A P A P E P E A E V P K  
2701 AAGAGAAGGTAATTGCTACTACTGAAACTACTGAGGAAGAAGAAAAAGTGGCAGTTGAAG 2760  
E K V I A T T E T T E E E E K V A V E E  
2761 AAGTTGAAGTGAACAGAGGAGGGAGAAGTTACTGAGGAGAAGACTGAGTAAA 2820  
V E V K V E T E E G E V T E E K T E \*  
2821 ATAAGTTGTACAACATTTTATGCACGCCCTATTTCTCAATTGGAAGTTATAATGTAG 2880  
2881 TGGGCTTTGGTAATATTTGGGTTAATAAGTGGTTAACGGCTTTGAACAAAACATAGAAATTGGCACACATGG 2940  
2941 GAATTTAGATATGGTAAAGGCCTACTTGAACAAAACATAGAAATTGGCACACATGG 3000  
3001 GTAAAAGTCAAACATTGTTGAGGATGTTCTTGTGTTAAATGTGTGCGCAAGTAGT 3060  
3061 AGAATGTGGTGGTTGAATGTAAGTTCTCAAGTAGGGTTATGAGTCCTAGTATTATGCT 3120  
3121 TGATTGTATGTTGATATGAAAATGGGGTATGTTGGCTTGAAATAAAAGTTTTAATT 3180  
3181 ATATAATAAGTGTATTTGTTAATATCATTCTTCATTCTCGGATCAACTACTGAT 3240  
3241 CATGCCCTGGTAAGCTATTGCCCTACCAACTAGCTAATCGAACCGAGCCC 3292

Figure 10b